



ΕΘΝΙΚΟ ΣΥΣΤΗΜΑ ΔΙΑΠΙΣΤΕΥΣΗΣ

ΠΙΣΤΟΠΟΙΗΤΙΚΟ ΔΙΑΠΙΣΤΕΥΣΗΣ

Αρ. 1267-4

Το Εθνικό Σύστημα Διαπίστευσης (Ε.ΣΥ.Δ.), ως ο αρμόδιος εθνικός φορέας,
σύμφωνα με το ν. 4468/2017,

ΔΙΑΠΙΣΤΕΥΕΙ

τη

**Μονάδα Διαγνωστικής Γενετικής και Ιατρικής Ακρίβειας
(ΔΙΓΕΝΙΑ)**

του

Ινστιτούτου Μοριακής Βιολογίας και Βιοτεχνολογίας

του

Ιδρύματος Τεχνολογίας και Έρευνας

στο Ηράκλειο Κρήτης

ως ικανό, σύμφωνα με τις απαιτήσεις του Προτύπου ΕΛΟΤ EN ISO 15189:2022 και τα Κριτήρια του Ε.ΣΥ.Δ., να εκτελεί δοκιμές, όπως καθορίζονται στο συνημμένο Επίσημο Πεδίο Εφαρμογής, το οποίο είναι δυνατό να τροποποιείται με αποφάσεις του Ε.ΣΥ.Δ.

Η αρχική διαπίστευση χορηγήθηκε την 21^η Σεπτεμβρίου 2021. Το παρόν Πιστοποιητικό ανανεώνει τη διαπίστευση και ισχύει μέχρι την 20^η Σεπτεμβρίου 2030, υπό τον όρο της συνεχούς συμμόρφωσης του διαπιστευμένου φορέα προς το ανωτέρω Πρότυπο και τα Κριτήρια του Ε.ΣΥ.Δ.

Αθήνα, 30^η Απριλίου 2026


Κωνσταντίνου Ευάγγελος Απόστολος
Διευθύνων Σύμβουλος του Ε.ΣΥ.Δ.



Το Ε.ΣΥ.Δ. έχει υπογράψει τη Συμφωνία Αμοιβαίας Αναγνώρισης της Ευρωπαϊκής Συνεργασίας για τη Διαπίστευση (EA) για τις δραστηριότητες που καλύπτονται από το παρόν πιστοποιητικό.



ACCREDITATION CERTIFICATE

No. 1267-4

The Hellenic Accreditation System (ESYD), as the national accreditation body of Greece in accordance with the Law 4468/2017,

ACCREDITS

the
Diagnostic Genetics and Precision Medicine Unit (DIGENIA)
of
Institute of Molecular Biology and Biotechnology
of
Foundation of Research and Technology
in Heraklion, Crete, Greece

under the terms of the ELOT EN ISO 15189:2022 Standard and the ESYD Criteria, to carry out tests, as specified in the attached Scope of the Accreditation, which may be revised by decisions of ESYD.

The initial assessment was issued on the 21st of September 2021. This Certificate renews the accreditation, and it is valid until 20 September 2030, provided that the accredited body will comply with the above Standard and the ESYD Criteria.

Athens, 30 April 2026


Konstantinou Evangelos Apostolos
CEO of ESYD



ESYD is a signatory of the European co-operation for Accreditation (EA) Multilateral Agreement for the activities covered by this certificate.

Εθνικό Σύστημα Διαπίστευσης



Παράρτημα G1/7 του Πιστοποιητικού Αρ.1267-4

ΕΠΙΣΗΜΟ ΠΕΛΙΟ ΕΦΑΡΜΟΓΗΣ της ΔΙΑΠΙΣΤΕΥΣΗΣ

της
Μονάδας Διαγνωστικής Γενετικής και Ιατρικής Ακρίβειας (ΔΙΓΕΝΙΑ)

του
Ινστιτούτου Μοριακής Βιολογίας και Βιοτεχνολογίας

του
Ιδρύματος Τεχνολογίας και Έρευνας

Υλικά / Προϊόντα υποβαλλόμενα σε δοκιμή	Τύποι δοκιμών / Μετρούμενες ιδιότητες	Εφαρμοζόμενες μέθοδοι / Χρησιμοποιούμενες τεχνικές
Μοριακή Ογκολογία		
Τομές από ενσωματωμένο σε παραφίνη καρκινικό ιστό από συμπαγείς όγκους	Ανίχνευση σημειακών μεταλλάξεων (SNVs) και μικρών ελλείψεων/διπλασιασμών (indels) σε δείγματα συμπαγών όγκων με χρήση Ion AmpliSeq NGS panel 58 γονιδίων: (AKT1, ALK, AR, ATM, BCL2, BRAF, BRCA1, BRCA2, CCND1, CCNE1, CDK4, CDK6, CDKN2A, CHEK1, CHEK2, CTNNB1, EGFR, ERBB2, ERBB4, ESR1, FGFR1, FGFR2, FGFR3, IDH1, IDH2, JAK2, JUN, KDR, KIT, KMT2C, KRAS, MAP2K1, MDM2, MDM4, MEN1, MET, MLH1, MSH2, MSH6, MTOR, MYC, NF1, NOTCH1, NRAS, PALB2, PDGFRA, PIK3CA, PIK3CB, PTEN, RAD50, RAD51, RB1, RET, ROS1, SMAD4, STAT3, STK11, TP53)	Εσωτερική Μέθοδος αλληλούχησης Επόμενης Γενιάς (Next Generation Sequencing-NGS) με εκκινητές Ion AmpliSeq, σε σύστημα Ion S5 XL™ System, (ThermoFisher Scientific) με χρήση προσαρμοσμένου πάνελ 58 γονιδίων για συμπαγείς όγκους (ThermoFisher Scientific). Η επεξεργασία των δεδομένων γίνεται υπολογιστικά με την χρήση του λογισμικού Ion Reporter (ThermoFisher). Πρωτόκολλα Εργαστηρίου O.520-01 Nucleic Acid Extraction_v3, O.520-02_Nucleic Acid Quantification_v3, O.520-03_Library Preparation for Custom Panels (Somatic and Germline)_v4, O.520-06_ΟΔΗΓΙΑ PLAN RUN ΓΙΑ CHEF,S5_v3, O.520-04 BIOINFORMATIC ANALYSIS for CUSTOM PANELS_v6
Τομές από ενσωματωμένο σε παραφίνη καρκινικό ιστός από συμπαγείς όγκους.	Ανίχνευση σημειακών μεταλλάξεων (SNVs) και μικρών ενθέσεων/απαλοιφών (indels) σε 500 γονίδια σχετιζόμενα με καρκίνο, μικροδομορφικής αστάθειας DNA (MSI), Homologous Recombination Deficiency (HRD) & γενωμικής αστάθειας DNA (GIM) με χρήση της NGS δοκιμασίας OCAPlus (ThermoFisher)	Αλληλούχηση Επόμενης Γενιάς (NGS) με μέθοδο κατασκευαστή kit Oncomine Comprehensive Assay Plus (ThermoFisher Scientific) σε σύστημα Ion S5 XL™ System (ThermoFisher Scientific). Η επεξεργασία των δεδομένων γίνεται υπολογιστικά με την χρήση του λογισμικού Ion Reporter (ThermoFisher). Πρωτόκολλα Εργαστηρίου O.520-01 Nucleic Acid Extraction_v3; O.520-02_Nucleic Acid Quantification_v3, O.520-07_Library Preparation OCA Plus_v1, O.520-06_ΟΔΗΓΙΑ PLAN RUN ΓΙΑ CHEF,S5_v3, O.520-09 BIOINFORMATICS ANALYSIS for OCA PLUS_v2

Υλικά / Προϊόντα υποβαλλόμενα σε δοκιμή	Τύποι δοκιμών / Μετρούμενες ιδιότητες	Εφαρμοζόμενες μέθοδοι / Χρησιμοποιούμενες τεχνικές
Τομές από ενσωματωμένο σε παραφίνη καρκινικό ιστός από συμπαγείς όγκους.	Ανίχνευση γονιδιακών συντήξεων (gene fusions) σε δείγματα συμπαγών όγκων με χρήση της NGS δοκιμασίας OCAPlus (ThermoFisher)	Αλληλούχηση Επόμενης Γενιάς (NGS) με μέθοδο κατασκευαστή kit OncoPrint Comprehensive Assay Plus (ThermoFisher Scientific) σε σύστημα Ion S5 XL™ System (ThermoFisher Scientific). Η επεξεργασία των δεδομένων γίνεται υπολογιστικά με την χρήση του λογισμικού Ion Reporter (ThermoFisher). Πρωτόκολλα Εργαστηρίου O.520-01 Nucleic Acid Extraction_v3, O.520-02_Nucleic Acid Quantification_v3, O.520-07_Library Preparation OCA Plus_v1, O.520-06_ΟΔΗΓΙΑ PLAN RUN ΓΙΑ CHEF,S5_v3, O.520-09 BIOINFORMATICS ANALYSIS for OCA PLUS_v2
Μοριακή Γενετική		
Περιφερικό Αίμα	Ανίχνευση σημειακών μεταλλάξεων (SNVs) και μικρών ενθέσεων/απαλοιφών (indels) γαμετικής σειράς σε μεμονωμένα γονίδια	Εσωτερική μέθοδος με Sanger Sequencing σε θερμικό κυκλοποιητή VerityPro (Applied Biosystems) και ανάλυση σε γενετικό αναλυτή SeqStudio Genetic Analyzer (Applied Biosystems) Πρωτόκολλα Εργαστηρίου O.520-01 Nucleic Acid Extraction_v3, O.520-02_Nucleic Acid Quantification_v3, O.520-08_Sanger Sequencing_v1
Περιφερικό Αίμα	Ανίχνευση σημειακών μεταλλάξεων (SNVs) και μικρών ενθέσεων/απαλοιφών (indels) γαμετικής σειράς σε 50 γονίδια σχετιζόμενα με καρκίνο ενδοκρινών αδένων (AIP, AKT1, APC, ARMC5, ATP1A1, ATP2B3, BRAF, CACNA1D, CACNA1H, CDC73, CDKN1A, CDKN1B, CDKN1C, CDKN2A, CDKN2B, CDKN2C, CHEK2, CLCN2, CTNNB1, DICER1, FH, GNA11, GNAQ, GNAS, KCNJ5, KDM1A, MAX, MEN1, NF1, PDE11A, PDE4D, PDE8B, PDGFRA, PIK3CA, PRKACA, PRKACB, PRKAR1A, PRKAR1B, PTEN, RECQL, RET, SDHA, SDHAF2, SDHB, SDHC, SDHD, TMEM127, TP53, VHL, ZNRF3)	Εσωτερική Μέθοδος αλληλούχησης Επόμενης Γενιάς (Next Generation Sequencing-NGS) με εκκινητές Ion Ampliseq, σε σύστημα Ion S5 XL™ System, (ThermoFisher Scientific) με χρήση προσαρμοσμένου πάνελ 50 γονιδίων για κληρονομούμενα σύνδρομα καρκίνου ενδοκρινών αδένων (Ion AmpliSeq™, ThermoFisher Scientific). Πρωτόκολλα Εργαστηρίου O.520-01 Nucleic Acid Extraction_v3, O.520-02_Nucleic Acid Quantification_v3, O.520-03_Library Preparation for Custom Panels (Somatic and Germline)_v4, O.520-06_ΟΔΗΓΙΑ PLAN RUN ΓΙΑ CHEF,S5_v3, O.520-04 BIOINFORMATIC ANALYSIS for CUSTOM PANELS_v6
Περιφερικό Αίμα	Ανίχνευση σημειακών μεταλλάξεων (SNVs) και μικρών ενθέσεων/απαλοιφών (indels) γαμετικής σειράς σε 159 γονίδια σχετιζόμενα με κληρονομούμενα καρδιαγγειακά νοσήματα (ABCC9, ACTA1, ACTA2, ACTC1, ACTN2, AKAP9, ALPK3, ANK2, ANKRD1, APOA1, ATP2A2, BAG3, CACNA1C, CACNA1D, CACNA2D1, CACNB2,	Εσωτερική Μέθοδος αλληλούχησης Επόμενης Γενιάς (Next Generation Sequencing-NGS) με εκκινητές Ion Ampliseq, σε σύστημα Ion S5 XL™ System, (ThermoFisher Scientific) με χρήση προσαρμοσμένου πάνελ 159 γονιδίων για κληρονομούμενα καρδιαγγειακά νοσήματα (Ion AmpliSeq™, ThermoFisher Scientific).

Υλικά / Προϊόντα υποβαλλόμενα σε δοκιμή	Τύποι δοκιμών / Μετρούμενες ιδιότητες	Εφαρμοζόμενες μέθοδοι / Χρησιμοποιούμενες τεχνικές
Περιφερικό Αίμα (συνέχεια)	CALM1, CALM2, CALM3, CALR3, CASQ2, CAV3, CBS, CHRM2, COL3A1, COL5A1, COL5A2, CRYAB, CSRP3, CTF1, CTNNA3, DES, DMD, DOLK, DPP6, DSC2, DSG2, DSP, DTNA, EFEMP2, ELN, EMD, EYA4, FBN1, FBN2, FGF12, FHL1, FHL2, FHOD3, FKTN, FLNC, FOXE3, FXN, GAA, GATA4, GATA6, GATAD1, GJA1, GJA5, GJC1, GLA, GPD1L, HCN4, HEY2, HFE, HRAS, JPH2, JUP, KCNA5, KCNAB2, KCND3, KCNE1, KCNE2, KCNE3, KCNE5, KCNH2, KCNJ2, KCNJ5, KCNJ8, KCNQ1, LAMA4, LAMP2, LDB3, LMNA, LOX, LTBP2, MFAP5, MYBPC3, MYH11, MYH6, MYH7, MYL2, MYL3, MYLK, MYLK2, MYOM1, MYOZ2, MYPN, NEBL, NEXN, NKX2-5, NOS1AP, NOTCH1, NPPA, NUP155, PDLIM3, PKP2, PLN, PRDM16, PRKAG2, PRKG1, PSEN1, PSEN2, PTPN11, RAF1, RANGRF, RBM20, RIT1, RYR2, SCN10A, SCN1B, SCN2B, SCN3B, SCN4B, SCN5A, SCO2, SGCD, SLC22A5, SLC25A4, SLC2A10, SLC8A1, SLMAP, SMAD3, SMAD4, SNTA1, SOS1, STRN, SURF1, TAZ, TBX20, TBX5, TCAP, TGFB2, TGFB3, TGFBR1, TGFBR2, TMEM43, TMPO, TNNC1, TNNI3, TNNT2, TPM1, TRDN, TRIM63, TRPM4, TRPM7, TTN, TTR, VCL)	Πρωτόκολλα Εργαστηρίου O.520-01 Nucleic Acid Extraction_v3, O.520-02 Nucleic Acid Quantification_v3, O.520-03 Library Preparation for Custom Panels (Somatic and Germline)_v4, O.520-06 ΟΔΗΓΙΑ PLAN RUN ΓΙΑ CHEF,S5_v3, O.520-04 BIOINFORMATIC ANALYSIS for CUSTOM PANELS_v6

Τόπος αξιολόγησης : **Μόνιμες εγκαταστάσεις εργαστηρίου, Νικολάου Πλαστήρα 95, Ηράκλειο, Κρήτη**
Εξουσιοδοτημένοι υπεύθυνοι υπογραφής: **Ε. Λιναρδάκη, Ε. Τζαγκαράκη, Ε. Βοργιά, Κ. Στρατάκης.**

Το παρόν Πεδίο Διαπίστευσης αντικαθιστά το αντίστοιχο προηγούμενο με ημερομηνία 17.03.2026.
Το Πιστοποιητικό Διαπίστευσης με Αρ.1267-4, κατά ΕΛΟΤ EN ISO 15189:2022, ισχύει μέχρι τις 20.09.2030.

Αθήνα, 30^η Απριλίου 2026


Κωνσταντίνου Ευάγγελος Αποστόλος
Διευθύνων Σύμβουλος του Ε.Σ.Υ.Δ.


Hellenic Accreditation System



Annex G1/7 to the Certificate No.1267-4

SCOPE of ACCREDITATION

of the

Diagnostic Genetics and Precision Medicine Unit (DIGENIA)

of

Institute of Molecular Biology and Biotechnology

of

Foundation of Research and Technology

Tested materials / products	Types of test / Properties to be measured	Applied Standards / Techniques to be used
Molecular Oncology		
FFPE tissue sections from solid tumors	Detection of single nucleotide variants (SNVs) and small insertions/deletions (indels) in solid tumor samples with the use of a custom Ion AmpliSeq NGS panels of 58 genes: (AKT1, ALK, AR, ATM, BCL2, BRAF, BRCA1, BRCA2, CCND1, CCNE1, CDK4, CDK6, CDKN2A, CHEK1, CHEK2, CTNNB1, EGFR, ERBB2, ERBB4, ESR1, FGFR1, FGFR2, FGFR3, IDH1, IDH2, JAK2, JUN, KDR, KIT, KMT2C, KRAS, MAP2K1, MDM2, MDM4, MEN1, MET, MLH1, MSH2, MSH6, MTOR, MYC, NF1, NOTCH1, NRAS, PALB2, PDGFRA, PIK3CA, PIK3CB, PTEN, RAD50, RAD51, RB1, RET, ROS1, SMAD4, STAT3, STK11, TP53)	Lab developed method Next Generation Sequencing (NGS) with Ion AmpliSeq primers in Ion S5 XL™ System (ThermoFisher Scientific) using the custom gene panel of 58 genes for solid tumors (ThermoFisher Scientific). Data analysis performed using Ion Reporter Software (ThermoFisher). Lab Protocols O.520-01 Nucleic Acid Extraction_v3, O.520-02_Nucleic Acid Quantification_v3, O.520-03_Library Preparation for Custom Panels (Somatic and Germline)_v4, O.520-06_PLAN RUN CHEF,S5_v3, O.520-04 BIOINFORMATIC ANALYSIS for CUSTOM PANELS_v6
FFPE tissue sections from solid tumors	Detection of single nucleotide variants (SNVs) and small insertions/deletions (indels) in solid tumor samples in 500 cancer related genes, Microsatellite Instability (MSI), Homologous Recombination Deficiency (HRD) and Genomic Instability DNA (GIM) with the use of NGS analysis OCAPlus (Thermofisher)	Next Generation Sequencing (NGS) with kit Oncomine Comprehensive Assay Plus (ThermoFisher Scientific) in Ion S5 XL™ System (ThermoFisher Scientific). Data analysis performed using Ion Reporter Software (ThermoFisher). Lab Protocols O.520-01 Nucleic Acid Extraction_v3, O.520-02_Nucleic Acid Quantification_v3, O.520-07_Library Preparation OCA Plus_v1, O.520-06_PLAN RUN CHEF,S5_v3, O.520-09 BIOINFORMATICS ANALYSIS for OCA PLUS_v2

FFPE tissue sections from solid tumors	Detection of gene fusions in solid tumor samples with the use of NGS analysis OCAPlus (ThermoFisher)	Next Generation Sequencing (NGS) with kit Oncomine Comprehensive Assay Plus (ThermoFisher Scientific) in Ion S5 XL™ System (ThermoFisher Scientific). Data analysis performed using Ion Reporter Software (ThermoFisher). Lab Protocols O.520-01 Nucleic Acid Extraction_v3, O.520-02 Nucleic Acid Quantification_v3, O.520-07 Library Preparation OCA Plus_v1, O.520-06 PLAN RUN CHEF,S5_v3, O.520-09 BIOINFORMATICS ANALYSIS for OCA PLUS_v2
--	--	---

Molecular Genetics

Peripheral Blood	Detection of single nucleotide variants (SNVs) and small insertions/deletions (indels) germline origin in individual genes	Lab developed method with Sanger Sequencing in PCR VerityPro (Applied Biosystems) and SeqStudio Genetic Analyzer (Applied Biosystems). Lab Protocols O.520-01 Nucleic Acid Extraction_v3, O.520-02 Nucleic Acid Quantification_v3, O.520-08 Sanger Sequencing_v1
Peripheral Blood	Detection of single nucleotide variants (SNVs) and small insertions/deletions (indels) germline origin in 50 genes related to endocrine tumor (AIP, AKT1, APC, ARMC5, ATP1A1, ATP2B3, BRAF, CACNA1D, CACNA1H, CDC73, CDKN1A, CDKN1B, CDKN1C, CDKN2A, CDKN2B, CDKN2C, CHEK2, CLCN2, CTNNB1, DICER1, FH, GNA11, GNAQ, GNAS, KCNJ5, KDM1A, MAX, MEN1, NF1, PDE11A, PDE4D, PDE8B, PDGFRA, PIK3CA, PRKACA, PRKACB, PRKAR1A, PRKAR1B, PTEN, RECQL, RET, SDHA, SDHAF2, SDHB, SDHC, SDHD, TMEM127, TP53, VHL, ZNRF3)	Lab developed method Next Generation Sequencing (NGS) with Ion AmpliSeq primers in Ion S5 XL™ System (ThermoFisher Scientific) using the custom gene panel of 50 genes related to hereditary endocrine tumor syndromes (Ion AmpliSeq™, ThermoFisher Scientific). Lab Protocols O.520-01 Nucleic Acid Extraction_v3, O.520-02 Nucleic Acid Quantification_v3, O.520-03 Library Preparation for Custom Panels (Somatic and Germline) v4, O.520-06 PLAN RUN CHEF, S5_v3, O.520-04 BIOINFORMATIC ANALYSIS for CUSTOM PANELS_v6
Peripheral Blood	Detection of single nucleotide variants (SNVs) and small insertions/deletions (indels) germline origin in 159 genes related to hereditary cardiovascular diseases (ABCC9, ACTA1, ACTA2, ACTC1, ACTN2, AKAP9, ALPK3, ANK2, ANKRD1, APOA1, ATP2A2, BAG3, CACNA1C, CACNA1D, CACNA2D1, CACNB2, CALM1, CALM2, CALM3, CALR3, CASQ2, CAV3, CBS, CHRM2, COL3A1, COL5A1, COL5A2, CRYAB, CSRP3, CTF1, CTNNA3, DES, DMD, DOLK, DPP6, DSC2, DSG2, DSP, DTNA, EFEMP2,	Lab developed method Next Generation Sequencing (NGS) with Ion AmpliSeq primers in Ion S5 XL™ System (ThermoFisher Scientific) using the custom gene panel of 159 genes related to hereditary cardiovascular diseases (Ion AmpliSeq™, ThermoFisher Scientific). Lab Protocols O.520-01 Nucleic Acid Extraction_v3, O.520-02 Nucleic Acid Quantification_v3, O.520-03 Library Preparation for Custom Panels (Somatic and Germline) v4, O.520-06 PLAN RUN CHEF, S5_v3, O.520-04 BIOINFORMATIC ANALYSIS for CUSTOM PANELS_v6

Peripheral Blood (continued)	ELN, EMD, EYA4, FBN1, FBN2, FGF12, FHL1, FHL2, FHOD3, FKTN, FLNC, FOXE3, FXN, GAA, GATA4, GATA6, GATAD1, GJA1, GJA5, GJC1, GLA, GPD1L, HCN4, HEY2, HFE, HRAS, JPH2, JUP, KCNA5, KCNAB2, KCND3, KCNE1, KCNE2, KCNE3, KCNE5, KCNH2, KCNJ2, KCNJ5, KCNJ8, KCNQ1, LAMA4, LAMP2, LDB3, LMNA, LOX, LTBP2, MFAP5, MYBPC3, MYH11, MYH6, MYH7, MYL2, MYL3, MYLK, MYLK2, MYOM1, MYOZ2, MYPN, NEBL, NEXN, NKX2-5, NOS1AP, NOTCH1, NPPA, NUP155, PDLIM3, PKP2, PLN, PRDM16, PRKAG2, PRKG1, PSEN1, PSEN2, PTPN11, RAF1, RANGRF, RBM20, RIT1, RYR2, SCN10A, SCN1B, SCN2B, SCN3B, SCN4B, SCN5A, SCO2, SGCD, SLC22A5, SLC25A4, SLC2A10, SLC8A1, SLMAP, SMAD3, SMAD4, SNTA1, SOS1, STRN, SURF1, TAZ, TBX20, TBX5, TCAP, TGFB2, TGFB3, TGFBR1, TGFBR2, TMEM43, TMPO, TNNC1, TNNI3, TNNT2, TPM1, TRDN, TRIM63, TRPM4, TRPM7, TTN, TTR, VCL)	
---------------------------------	--	--

Site of assessment: **Laboratory permanent premises: Nikolaou Plastira 95 GR-70013, Heraklion, Crete Greece.**
 Approved signatories: **E. Linardaki, E. Tzagkaraki, E. Vorgia, C. Stratakis.**

This Scope of Accreditation replaces the previous one dated 17.03.2026.
 The Accreditation Certificate No. **1267-4**, to ELOT EN ISO 15189:2022, is valid until 20.09.2030.

Athens, 30 April 2026


 Konstantinos Evangelos Apostolos
 CEO of **ESYD**
